



#4

1 CCTGGTCTCG CACTGCTCAC TCCCGCGCAG TGAGGTTGGC ACAGCCACCG  
51 CTCTGTGGCT CGCTTGTTTC CCTTAGTCCC GAGCGCTCGC CCACTGCAGA  
101 TTCCTTCCC GTGCAGACAT GGCCTCTGGC ACCACCACTA CCGCCGTGAA  
151 GGTGAGATGA GCCCTCCCAG CCGCAGCGGT TCGCCTGCCG GATGCCTTCN  
201 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
251 CCTTCAAATG TTTGTTGATT TTTATGGAAG GCTTTGAAAT ATTTGTTGAT  
301 TGATGTTTCA TAATTTTCAG ATTTCAAAAA AATAACTAGG GCTTGGCAGG  
351 AATGGAGAAG AGCATATGAA TAAATGAATT TGCTTAGAAT CTTATTTCTA  
401 ATAAAAATTA CCAAATACAA TAATCTTATA TGTCTTTTTT TGCTCTTAGA  
451 TTGGAATAAT TGGTGGAACA GGCCTGGATG ATCCAGAAAT TTTAGAAGGA  
501 AGAACTGAAA AATATGTGGA TACTCCATTT GGCAAGGTTA ATATCCAAC  
551 TGTGGAGACA TGTTTTNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
601 TTCTCTAAGT TGTATCCTCA GACTCTTCAG ATTCCATGAG TCCTGTTGTG  
651 GTTGAACAAT TATAATTTAC ATACCTGTTT TTAAATCAC TGAGTTAAAT  
701 GTCATTTTTT TCATTGCATG CAGCCATCTG ATGCCTTAAT TTTGGGGAAG  
751 ATAAAAAATG TTGATTGCGT CCTCCTTGCA AGGTATGGTA NNNNNNNNNN  
801 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
851 AAGCTTGATA CTCATCACGG GTTAACAATT TCTTCTCTCC TTCCATAGGC  
901 ATGGAAGGCA GCACACCATC ATGCCTTCAA AGGTCAACTA CCAGGCGAAC  
951 ATCTGGGCTT TGAAGGAAGA GGGCTGTACA CATGTCATAG TGACCACAGC  
1001 TTGTGGCTCC TTGAGGGAGG AGATTCAGCC CGGCGATATT GTCATTATTG  
1051 ATCAGTTCAT TGACAGGTAA GCAGTCATAC AAAATGCTTT AGGCTATTGT  
1101 AGCTGGTCAT TTTCAGCTCA AATGGACGAC NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
1151 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
1201 GAGGTCGACG GTATCGATAA GCTTTGTAAA CAATTGTCTT TAGCTTATCC  
1251 AGAGGAATTG AGTCTGGAGT AAAGACCCAA ATATTGACCT AGATAAAGTT  
1301 GACTCACCAG CCCTCGGAGG ATGGAAAGAT GGCCTTAAAA TAAAACAAAC  
1351 AAAAACCTTT TTTGCTTTAT TTTGTAGGAC CACTATGAGA CCTCAGTCCT  
1401 TCTATGATGG AAGTCATTCT TGTGCCAGAG GAGTGTGCCA TATTCCAATG

FIGURE 1

1451 GCTGAGCCGT TTTGCCCCAA AACGAGAGAG GTGTGTAGTC TTTCTGGAAG  
 1501 GTGTACCAGA ATAAATCATG TGGGCTTGGG GTGGCATCTG GCATTGTGGT  
 1551 AATTGGCAGA CGGAGTGGCC CCATACCCTC ACTCAAGTTT GCTTTGTATT  
 1601 ATGCAAGTTT ATGGAGAGTT ATTTCTGTG GCTAATAATT TNNNNNNNNN  
 1651 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
 1701 AAGTGCAGCC TTAAGTTGTG CATGTGCTAG TATGTTTTGA AGTTTCTGGT  
 1751 TTTTCTTTTC TAGGTTCTTA TAGAGACTGC TAAGAAGCTA GGACTCCGGT  
 1801 GCCACTCAAA GGGGACAATG GTCACAATCG AGGGACCTCG TTTTAGCTCC  
 1851 CGGGCAGAAA GCTTCATGTT CCGCACCTGG GGGGCGGATG TTATCAACAT  
 1901 GACCACAGTT CCAGAGGTGG TTCTTGCTAA GGAGGCTGGA ATTTGTTACG  
 1951 CAAGTATCGC CATGGGCACA GATTATGACT GCTGGAAGGA GCACGAGGAA  
 2001 GCAGTAGGTG GAATTCTTTT CTAAGCACAT ATAGCATGGG TTTCTGGGTG  
 2051 CCAATAGGGT GTCTTAACTG TTTGTTTCTA TTACGTTAGT TTCAGAAAGT  
 2101 GCCTTTCTAC AAGGTTTTGA AGTTGTTAAT ATTTTCTGTA GTTCCATTGG  
 2151 AAGGTAAGAA CAAAGATCAA AAGAAAGAAA GAGACACTTT TACCCAAGGA  
 2201 TCAGTAGTGA AAATAGTACA TTGTAGGCAT GTAGATGTGT TGAGAATCAT  
 2251 ACTAAGACTT GGGCCTTNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
 2301 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
 2351 GAGCTCCGAA AAATGTTTTA TGA TAGCAG TGAATTTA AGTTCTAGTA  
 2401 ACCTCCAGTG CTATTGTTTC TCTAGGTTTC GGTGGACCGG GTCTTAAAGA  
 2451 CCCTGAAAGA AAACGCTAAT AAAGCCAAAA GCTTACTGCT CACTACCATA  
 2501 CCTCAGATAG GGTCCACAGA ATGGTCAGAA ACCCTCCATA ACCTGAAGGT  
 2551 AAGTGTGAGC CATGGACAAC CAGGCATGTC TGGAGACTCT CTATTGTCTT  
 2601 CTCCTCTCAC TAGCATCACA CCCGGGGGTC CTCATGTATT TTATGCCAGC  
 2651 CTANNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
 2701 CTGTAGAATT TATTTAAAGT GTATGTTTCC TGCGTCCTCA CTTTGATCTA  
 2751 GAAAATCAAA ATCTGGTTTT TTTTTTAACA AACATCTCAG TAATTACGCC  
 2801 AACATGTGAA TATCACTGCC TCCTTTCTTC CTTTCAGAA ATGGCCAGT

FIGURE 1

2851 TTTCTGTTTT ATTACCAAGA CATTAAAGTA GCATGGCTGC CCAGGAGAAA  
2901 AGAAGACATT CTAATTCCAG TCATTGGGA ATTCCTGCTT AACTTGAAAA  
2951 AAATATGGGA AAGACATGCA GCTTTCATGC CCTTGCCTAT CAAAGAGTAT  
3001 GTTGTAAGAA AGACAAGACA TTTGTGTGTA TTAGAGACTC CTGAATGATT  
3051 TAGACAACTT CAAAATACAG AAGAAAAGCA AAA

Figure. The genomic sequence of MTAP gene. Exons 1-8 are underlined.